

## Perfil microbiológico de las infecciones intra abdominales en el Servicio de Cirugía de Emergencia del Hospital Nacional Guillermo Almenara Irigoyen, Lima, Perú

Microbiological and resistance profiles of community acquired and nosocomial intra abdominal infections in surgery of National Hospital Guillermo Almenara, Lima, Peru

Fernando Revoredo Rego<sup>1</sup>, Eduardo Huamán Egoávil<sup>2</sup>, Sergio Zegarra Cavani<sup>2</sup>, Hugo Auris Mora<sup>2</sup>, Roberto Valderrama Barrientos<sup>2</sup>

<sup>1</sup> Servicio de Cirugía de Páncreas, Bazo y Retroperitoneo, Departamento De Cirugía General, Hospital Nacional Guillermo Almenara Irigoyen. Lima, Perú.

<sup>2</sup> Servicio de Cirugía de Emergencia y Cuidados Críticos Quirúrgicos, Departamento de Cirugía General, Hospital Nacional Guillermo Almenara Irigoyen. Lima, Perú.

Recibido: 10-8-2015

Aprobado 26-11-2015

### RESUMEN

**Objetivo:** Determinar el perfil microbiológico y de resistencia de las infecciones intra abdominales (IIA) adquiridas en la comunidad y nosocomiales en el Servicio de Cirugía de Emergencia y Cuidados Críticos Quirúrgicos del Hospital Nacional Guillermo Almenara Irigoyen. **Material y métodos:** Desde el 1 de agosto del 2013 al 31 de julio del 2014, se incluyeron a los pacientes con drenaje quirúrgico o intervencionista de las IIA. **Resultados:** Los cultivos aptos para el análisis fueron 169 (74 biliares y 95 no biliares; 142 de la comunidad y 27 nosocomiales). Los gérmenes más frecuentemente aislados fueron *E. coli* (63,3%), *K. pneumoniae* (12%) y *Enterococcus spp.* (10%). El 43,5% de *E. coli* y el 21,23% de *Klebsiella* fueron productoras de BLEE. Los carbapenems mostraron el 100% de susceptibilidad *in vitro* para las IIA mientras que las quinolonas mostraron una alta resistencia bacteriana (> del 50%). **Conclusiones:** El microorganismo de mayor prevalencia en las IIA fue la *E. coli*. Dada la alta resistencia *in vitro* de los microorganismos a las quinolonas, éstas no deberían recomendarse como tratamiento empírico inicial.

**Palabras clave:** Infecciones intraabdominales; Infección hospitalaria; Análisis microbiológico (fuente: DeCS BIREME).

### ABSTRACT

**Objective:** To determine the microbiological and resistance profiles of community acquired and nosocomial intra abdominal infections (IAls) at the Surgery Service of Emergency and surgery critical care units from the Hospital Nacional Guillermo Almenara Irigoyen. **Material and methods:** From August 1st, 2013 till July 31st, 2014, patients undergoing surgery/interventional drainage for IAls were included. **Results:** The suitable cultures for the analysis were 169 (74 bile and 95 no bile cultures; 142 community acquired and 27 nosocomials). The microorganisms more frequently isolated were *E. coli* (63.3%), *K. pneumoniae* (12%) and *Enterococcus spp.* (10%). The 43.5% of *E. coli* and the 21.23% of *Klebsiella* were ESBL producers. The carbapenems were the most active agents *in vitro* (100%), while the quinolones showed high resistance (>50%). **Conclusions:** *E. coli* was the most common microorganism in the IAls. Because of the quinolone's high "in vitro" resistance, they should not be recommended as initial empirical therapy.

**Key words:** Intraabdominal infections; Cross infection; Microbiological analysis (source: MeSH NLM).

### INTRODUCCION

Las infecciones intra abdominales (IIA) incluyen diversas condiciones patológicas, que van desde la apendicitis no complicada hasta la peritonitis fecal. Desde el punto de vista clínico, las IIA se clasifican como complicadas y no complicadas<sup>(1)</sup>. En las IIA no complicadas, el proceso infeccioso sólo involucra al órgano y no se extiende al peritoneo, en las IIA complicadas el proceso infeccioso se extiende más allá del órgano y causa peritonitis localizada (absceso intra abdominal) o difusa<sup>(1)</sup>.

La peritonitis es la inflamación de la membrana peritoneal que recubre la cavidad abdominal. Diversos estímulos pueden generar esta respuesta inflamatoria: irritación química, necrosis local, contusión directa o invasión bacteriana, en este último caso se denomina peritonitis infecciosa o bacteriana<sup>(2)</sup>. La peritonitis se clasifica en primaria, secundaria o terciaria<sup>(3)</sup>. La peritonitis primaria es una infección bacteriana difusa sin pérdida de la integridad del tracto gastrointestinal. Es una infección rara que se presenta principalmente durante la lactancia o la infancia temprana y en pacientes cirróticos. La peritonitis secundaria, la forma

más común de peritonitis, es una infección peritoneal aguda resultante de la pérdida de la integridad del tracto gastrointestinal o proveniente de una víscera infectada (por ej. apendicitis gangrenosa, pancreatitis infectada). La dehiscencia de anastomosis es la causa más común de peritonitis en el período post operatorio<sup>(3)</sup>. La peritonitis terciaria se define como aquella que persiste luego de más de un procedimiento fallido de control de la fuente infecciosa<sup>(4)</sup>. Las IIA también se clasifican en adquiridas en la comunidad y nosocomiales. Estas últimas se desarrollan en pacientes hospitalizados o residentes de instituciones de atención a largo plazo, se caracterizan por mayor mortalidad, debido al estado de salud subyacente del paciente y a la mayor probabilidad de que la infección sea causada por microorganismos resistentes a múltiples antibióticos<sup>(4)</sup>.

El tratamiento antimicrobiano cumple un papel integral en el manejo de las IIA, especialmente en los pacientes críticamente enfermos, en quienes debe administrarse tratamiento antibiótico empírico lo más pronto posible. De hecho, el tratamiento antimicrobiano inadecuado es una de las variables más frecuentemente asociadas con la mortalidad<sup>(5,6)</sup>.

Los programas internacionales de vigilancia han sido desarrollados para monitorizar la aparición de la resistencia bacteriana a los antibióticos. Estos estudios son de mayor importancia, no sólo por el reporte de la resistencia, sino que también detectan tendencias a través del tiempo. Algunos estudios han destacado la variación de esta resistencia de acuerdo a los microorganismos aislados y a los antibióticos usados<sup>(7,8)</sup>. Estos informes proveen de orientación para escoger las terapias antimicrobianas empíricas para infecciones seleccionadas<sup>(9)</sup>.

Actualmente, existe una gran preocupación por la presencia de microorganismos multiresistentes como las bacterias de la familia *Enterobacteriaceae* productoras de betalactamasas de espectro extendido (BLEE) nosocomiales y de la comunidad, *Staphylococcus aureus* meticilino resistentes adquiridos en la comunidad (SARM), enterococos vancomicina resistentes (EVR), *Pseudomonas aeruginosa* y *Acinetobacter baumannii* multidrogo resistente<sup>(10)</sup>. En este escenario, los reportes epidemiológicos son de primordial importancia para asegurar la suficiencia del tratamiento antimicrobiano empírico<sup>(9)</sup>. Por ello, en el presente trabajo nos planteamos como objetivo, determinar el perfil microbiológico y de resistencia de las infecciones intra-abdominales adquiridas en la comunidad y nosocomiales en el Servicio de Cirugía de Emergencia y Cuidados Críticos Quirúrgicos del Hospital Nacional "Guillermo Almenara Irigoyen" de Lima - Perú.

## MATERIAL Y MÉTODOS

Durante un período de 12 meses, (del 1 de agosto del 2013 al 31 de julio del 2014), se realizó un estudio prospectivo, descriptivo y observacional en el servicio de Cirugía de Emergencia y Cuidados Críticos Quirúrgicos del Hospital Nacional Guillermo Almenara Irigoyen de Lima - Perú. Se incluyeron a los pacientes mayores de 15 años de edad, con drenaje quirúrgico (durante una laparotomía o laparoscopia) o intervencionista (drenaje percutáneo) de infecciones intra-abdominales con cultivos informados como positivos. Se excluyeron a los pacientes con pancreatitis, ascitis, peritonitis primarias y terciarias.

Para la recolección de datos se creó una base de datos en Excel la cual incluía: identificación del paciente, co-morbilidades, APACHE II, ASA, terapia antibiótica previa (siete días antes de la cirugía), IIA adquiridas en la comunidad o nosocomial (IIA nosocomial se define como una infección ausente durante la admisión y que se hace evidente 48 horas o más después de la admisión en pacientes hospitalizados<sup>(11)</sup>). Se consideraron las infecciones post quirúrgicas como casos nosocomiales), tipo de peritonitis, localización de la lesión, tipo de infección post quirúrgica (en caso de re-laparotomías a demanda), cirugía realizada y datos microbiológicos, que incluyen germen aislado, sensibilidad y resistencia. Además de la estancia hospitalaria, complicaciones y mortalidad.

La toma de muestras de la bilis y de las secreciones peritoneales; así como el transporte de las mismas se realizaron cumpliendo las normas publicadas por *Procedures/Guidelines for the Microbiology Laboratory*<sup>(12)</sup>.

Se consideró que una bacteria es sensible a un antibacteriano cuando la concentración de éste en el lugar de la infección es 4 veces superior al de la concentración inhibitoria mínima (CIM)<sup>(13)</sup>. Una concentración por debajo de la CIM califica a una bacteria como resistente. El nivel de CIM es dado por el CLSI (*Clinical and Laboratory Standards Institute*) o EUCAST (*European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing*)<sup>(13)</sup>.

La identificación de especies y la técnica de susceptibilidad, se realizó mediante el sistema automatizado Micro Scan Walk Away 96 y Paneles MIC Combo NUC 35, NC32, PC1A, según las Normas del *National Committee for Clinical Laboratory Standards* (NCCLS), que se indican en pruebas con gran número de aislamientos, los puntos de corte que definen el umbral de susceptibilidad para cada combinación microorganismo-fármaco son los establecidos por grupos como: US Clinical and Laboratory Standards Institutes (CLSI) y European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing (EUCAST).

## RESULTADOS

Durante el período de estudio se tomaron 216 cultivos de bilis y de secreciones peritoneales, de los cuales 109 correspondieron a infecciones biliares (101 de la comunidad y 8 nosocomiales) y 107 a infecciones no biliares (87 de la comunidad y 20 nosocomiales) respectivamente (Tabla 1). De los 109 cultivos biliares, 35 (32,11%) fueron negativos y de los 107 cultivos no biliares, 12 (11,21%) fueron negativos (Tabla 2). Finalmente, los cultivos que quedaron aptos para el análisis fueron 169 cultivos positivos (74 biliares y 95 no biliares; 142 de la comunidad y 27 nosocomiales).

**Tabla 1.** Localización de las IIA comunitarias y nosocomiales.

Localización de la infección	De la comunidad	Nosocomiales
<b>Infecciones biliares</b>	101	8
<b>Infecciones no biliares</b>		
Apéndice cecal	50	0
Colon		
Diverticulitis	9	1
Cáncer	3	1
Intestino delgado	13	1
Estómago/duodeno	10	0
Infección post quirúrgica		
Absceso residual	0	8
Dehiscencia de sutura	0	6
Perforación	0	3
Otra	2	0
Total (infecciones no biliares)	87	20
<b>Total</b>	<b>188</b>	<b>28</b>

**Tabla 2.** Cultivos de las IIA biliares y no biliares de la comunidad y nosocomiales.

Infección	De la comunidad	Nosocomiales
<b>Biliar</b>		
Monomicrobiana	54	5
Polimicrobiana	13	2
Negativo	34	1
<b>No biliar</b>		
Monomicrobiana	50	14
Polimicrobiana	25	6
Negativo	12	0

De los 169 pacientes con cultivos positivos, 87 (51,48%) correspondieron al sexo masculino y 82 (48,52%) al sexo femenino y la edad promedio fue de 60,3 años (la edad mínima fue de 15 años y la máxima 97 años). En la Tabla 3 se resumen las características de los pacientes con IIA de la comunidad y nosocomiales.

Dentro de los bacilos Gram negativos asociados con mayor frecuencia en las infecciones biliares de la comunidad encontramos a la *E. coli* y *Klebsiella pneumoniae*. Dentro de los cocos Gram positivos asociados con mayor frecuencia encontramos al *Enterococcus faecalis* y *Enterococcus faecium*, mientras que en las infecciones biliares nosocomiales encontramos a la *Pseudomona aeruginosa* como bacilo Gram negativo de mayor frecuencia, seguida por *E. coli* y a *Enterococcus faecalis* y *Enterococcus faecium* como cocos Gram positivos de mayor frecuencia (Tabla 4).

En las infecciones no biliares de la comunidad el bacilo Gram negativo aislado con mayor frecuencia fue la *E. coli*, seguida por *Klebsiella pneumoniae*, al igual que en las infecciones no biliares nosocomiales donde también los Gram negativos aislados con mayor frecuencia fueron *E. coli* y *Klebsiella pneumoniae*. En este grupo de pacientes también se aislaron algunos hongos (Tabla 5).

En cuanto a la resistencia, encontramos un porcentaje global de *E. coli* productora de BLEE de 43,5% (47 de 108 cepas) y de *Klebsiella* productora de BLEE de 21,23% (5 de 21 cepas). Con mayor detalle se expone la susceptibilidad antibiótica en las Tablas 6, 7, 8 y 9.

**Tabla 3.** Características de los pacientes en las IIA de la comunidad y nosocomiales.

	Infecciones de la comunidad (n=142)	Infecciones nosocomiales (n=27)
Edad (promedio en años)	62,9	56,85
Co-morbiliidades		
Hipertensión arterial	27	2
Cáncer	8	2
Cardiopatía	6	1
Diabetes mellitus	5	3
Fibrosis pulmonar	4	1
Insuficiencia renal	2	
Artritis reumatoide	2	1
Enf. de Addison	1	
APACHE II (promedio)	7,5	7,33
ASA I o II	113	23

**Tabla 4.** Microorganismos aislados en las IIA biliares de la comunidad y nosocomiales.

	Microorganismo	De la comunidad	Nosocomial	
<b>INFECCIÓN BILIAR</b>				
<b>Aerobios</b>				
Bacilos Gram negativos	<i>Escherichia coli</i>	37	2	
	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	7	0	
	<i>Klebsiella oxytoca</i>	2	0	
	<i>Enterobacter cloacae</i>	3	0	
	<i>Acinetobacter baumannii</i>	1	0	
	<i>Acinetobacter haemolyticus</i>	1	0	
	<i>Leclercia adecarboxylata</i>	1	0	
	<i>Morganella morganii</i>	1	0	
	<i>Pseudomona aeruginosa</i>	1	3	
	<i>Pseudomona fluorescens</i>	1	0	
	<i>Pseudomona putida</i>	1	0	
	<i>Salmonella typhi</i>	1	0	
	<i>Citrobacter freundii</i>	0	1	
	Cocos Gram positivos	<i>Enterococcus faecalis</i>	8	1
		<i>Enterococcus faecium</i>	5	1
		<i>Enterococcus durans</i>	1	0
<i>Enterococcus gallinarum</i>		1	0	
<i>Enterococcus hirae</i>		1	0	
<i>Enterococcus spp</i>		1	0	
<i>Streptococcus mutans</i>		1	0	
<b>Anaerobios</b>	No tipificados	5	1	

**Tabla 5.** Microorganismos aislados en las IIA no biliares de la comunidad y nosocomiales.

	Microorganismo	De la comunidad	Nosocomial	
<b>INFECCIÓN NO BILIAR</b>				
<b>Aerobios</b>				
Bacilos Gram negativos	<i>Escherichia coli</i>	55	13	
	<i>Escherichia vulneris</i>	1	0	
	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	6	4	
	<i>Klebsiella oxytoca</i>	1	1	
	<i>Pseudomona aeruginosa</i>	5	0	
	<i>Citrobacter freundii</i>	2	0	
	<i>Morganella morganii</i>	2	0	
	<i>Acinetobacter baumannii</i>	1	1	
	<i>Acinetobacter iwoffi</i>	1	0	
	<i>Aeromona hydrophila</i>	1	0	
	<i>Enterobacter cloacae</i>	1	0	
	<i>Kluyvera ascorbata</i>	1	1	
	<i>Proteus mirabilis</i>	0	1	
	<i>Salmonella spp</i>	0	1	
	Cocos Gram positivos	<i>Enterococcus faecalis</i>	1	1
		<i>Enterococcus faecium</i>	1	0
		<i>Staphylococcus aureus</i>	1	0
		<i>Staphylococcus epidermidis</i>	1	1
		<i>Streptococcus anginosus</i>	1	0
		<i>Streptococcus bovis</i>	1	0
<i>Streptococcus oralis</i>		1	0	
<i>Streptococcus mitis</i>		1	0	
<b>Anaerobios Hongos</b>	No tipificados	15	1	
	<i>Candida albicans</i>	1	0	
	<i>Candida glabrata</i>	1	1	
	<i>Candida spp</i>	2	0	

**DISCUSIÓN**

El número de cultivos positivos (con aislamiento de gérmenes) para el presente estudio fue de 169. De los cuales 74 (43,8%) correspondieron a patología aguda biliar y 95 (56,2%) a patología no biliar. La patología no biliar de mayor frecuencia fue la apendicitis aguda, seguida por perforación de intestino delgado, estómago y duodeno.

El porcentaje de cultivos positivos en las infecciones biliares agudas fue de 67,89% (74 de 109), datos que están dentro del rango reportado por otros estudios, en los que se encuentran cultivos positivos en colangitis aguda de 59 a 93% de casos y en colecistitis aguda de 29 a 54% (14).

Los gérmenes más frecuentemente aislados en nuestros cultivos fueron *E. coli* (63,3%) seguida de *K.*

*pneumoniae* (12%) y *Enterococcus spp.* (10%), datos muy similares a los reportados por Solomkin (15), quien reporta que de 1237 infecciones intra- abdominales confirmadas microbiológicamente, dentro de los aerobios gram negativos, *E. coli* fue más frecuentemente aislada (71%), seguida por *Klebsiella spp.* y dentro de los aerobios Gram positivos, *Streptococcus spp.* fue el más frecuentemente aislado (38%), seguido de *Enterococcus spp.* (23%).

Así mismo, dentro de los aerobios Gram negativos, los gérmenes que encontramos con mayor frecuencia en infecciones biliares fueron *E. coli* (52,7%), *Klebsiella spp.* (12,16%), *Pseudomona spp.* (6,7%) y *Enterobacter* (4%). Dentro de los aerobios Gram positivos encontramos con mayor frecuencia a *Enterococcus spp.* (25,6%). Además, encontramos un 8% de anaerobios. Datos que también son bastante semejantes a los reportados por Gomi y

**Tabla 6.** Sensibilidad de los aerobios gram negativos de las infecciones biliares de la comunidad.

Organismo	No. de Cepas	% de cepas sensibles																									
		BLEE (+)	Amicacina	Amox./Ac. Clavulánico.	Ampicilina	Aztreonam	Cefazolina	Cefepima	Cefotaxima	Cefoxitina	Ceftazidima	Ceftriaxona	Cefuroxima	Ciprofloxacino	Ertapenem	Gentamicina	Imipenem	Levofloxacino	Meropenem	Piperac./Tazobactam	Tetraciclina	Ticarcilina/Ac. Clavulan.	Tobramicina	Trimet./Sulfametox.	Moxifloxacino	Ampicil./Subbactam	Tigeciclina
<i>E. coli</i>	37	32%	97	73	28	66	54	68	62	85	67	59	61	43	100	78	100	43	100	93	46	73	81	41	100	80	100
<i>Klebsiella</i>	9	22%	89	86	11	67	86	78	75	71	75	78	63	78	100	89	100	75	100	100	50	86	89	89	100	100	100
<i>Enterobacter</i>	3		67	0	0	0	0	67	0	0	0	0	0	67	100	67	100	67	100	0	67	0	67	67			
<i>P. aeruginosa</i>	1		100			0		0	0	0	0	0	0	0	0	100	0	100	0	100		0	100				
Otras pseudomonas	2		100			100	0	100	0		100	100		100	100	100	100	100	100	100	0	100	100	0			

De los aerobios gram negativos de las infecciones biliares nosocomiales solamente se aislaron 2 cepas de *E. Coli* y 3 cepas de *P. aeruginosa*

cols. <sup>(14)</sup>, quienes encuentran que los gérmenes que más frecuentemente se aíslan en bilis de pacientes con una infección biliar aguda son los Gram negativos como *E. coli* (31-44%), *Klebsiella spp.* (9-20%), *Pseudomona spp.* (0,5 - 19%) y *Enterobacter spp.* (5-9%). Dentro de los Gram positivos reportan a *Enterococcus spp.* (3-34%), *Streptococcus spp.* (2-10%) y anaerobios (4-20%) <sup>(14)</sup>.

El incremento de infecciones por diferentes bacterias patógenas resistentes a los antibióticos es un problema de salud pública que no se ha detenido y es una amenaza en todo el mundo. La resistencia a betalactámicos puede ocurrir por impermeabilidad, alteración de las proteínas ligadoras de penicilina (PBP), eflujo y producción de betalactamasas. No hay duda de que este último mecanismo es el de mayor importancia clínica <sup>(16,17)</sup>. Las betalactamasas rompen el puente amida del anillo betalactámico, con lo que el antibacteriano

no puede unirse a las PBP, y no se produce la inhibición de la síntesis de la pared celular <sup>(16,17)</sup>.

Hoy en día se conocen más de 140 BLEE (betalactamasa de espectro extendido) diferentes: de la familia TEM (que albergan Temoneira), que generalmente tienen mayor actividad sobre la ceftazidima que sobre la cefotaxima y prevalecen en los Estados Unidos y Europa <sup>(16)</sup>. Hay más de 50 BLEE de tipo SHV (variable sulfidrido), que tienen efecto similar sobre la cefotaxima y la ceftazidima y son de distribución universal, y un nuevo grupo que prevaleció en Sudamérica y Europa del Este, las BLEE CTX-M, cuya designación se refiere a su efecto particular sobre la cefotaxima y la ceftriaxona. Ya se conocen cerca de 40 BLEE CTX-M. Otro tipo de betalactamasas son las enzimas de clase C, que se codifican cromosómicamente y, en

**Tabla 7.** Sensibilidad de los aerobios gram positivos de las infecciones biliares de la comunidad y nosocomiales.

Organismo	No. de Cepas		% de cepas sensibles																										
			Ampicilina	Ciprofloxacino	Levofloxacino	Tetraciclina	Daptomicina	Sinergia Estreptomycinica	Sinergia Gentamicina	Linezolid	Penicilina	Vancomicina	Eritromicina	Synercid	Rifampicina														
	C	N	C	N	C	N	C	N	C	N	C	N	C	N	C	N	C	N	C	N	C	N	C	N	C	N			
<i>Enterococcus faecalis</i>	8	1	100	100	75	0	75	0	50	0	100	100	88	0	75	100	100	100	100	100	100	100	100	28	0	0	0	38	100
<i>Enterococcus faecium</i>	5	1	80	100	0	100	40	100	60	100	100	100	80	0	80	100	100	100	60	100	80	100	20	0	20	0	60	100	
Otros enterococcus	4		100		67		67		75		67		100		100		100		100		75		100		67		75		

C: comunitarias, N: nosocomiales

**Tabla 8.** Sensibilidad de los aerobios gram negativos de las infecciones no biliarias de la comunidad.

Organismo	No. de Cepas	% de cepas sensibles																									
		BLEE (+)	Amicacina	Amox./Ac. Clavulánico.	Ampicilina	Aztreonam	Cefazolina	Cefepima	Cefotaxima	Cefoxitina	Ceftazidima	Ceftriaxona	Cefuroxima	Ciprofloxacino	Ertapenem	Gentamicina	Imipenem	Levofloxacino	Meropenem	Piperac./Tazobactam	Tetraciclina	Ticarcilina/Ac. Clavulan.	Tobramicina	Trimet./Sulfametox.	Cefotetan	Ampicil./Sulbactam	Tigeciclina
<i>E. coli</i>	55	44%	96	67	24	56	41	62	53	80	58	58	54	41	100	77	100	43	100	100	35	83	67	27	100	29	100
<i>Klebsiella</i>	7	0%	100	100	17	100	100	100	80	100	100	86	80	86	100	71	100	83	100	100	75	100	83	71	100	100	
<i>P. aeruginosa</i>	5		100	100	0		100	0	0	0	0		75	100	100	75	100	0	0	0	100	0	100	0	100	100	

forma generalmente inducible, las betalactamasas denominadas AmpC. Estas enzimas son elaboradas por cepas de *Enterobacter spp.*, *Citrobacter freundii*, *Morganella spp.*, *Providencia spp.* y *Serratia spp.*, entre las enterobacterias (16). La resistencia por BLEEs se transmite por plásmidos, los cuales generalmente llevan además información que confiere resistencia a otros agentes como aminoglucósidos, fluoroquinolonas, tetraciclinas, cloranfenicol y cotrimoxazol (17,18).

En este trabajo, encontramos un porcentaje global de *E. coli* productora de BLEE de 43,5% y de *Klebsiella* productora de BLEE de 21,23%. Datos que contrastan con lo reportado por Casellas (16) para América Latina, quien refiere que la proporción de cepas de *K. pneumoniae* productoras de BLEE es de más 40% del total de las cepas de *K. pneumoniae* aisladas y también nuestros datos contrastan por lo reportado por Salles (19) y Villegas (20), quienes informan que en América Latina, el 26% de *E.coli* y el 35% de *K. pneumoniae* de los cultivos de IIA son productores de BLEE, estos dos últimos informes basados en lo reportado por el estudio SMART (*Study for the Monitoring Antimicrobial Resistance Trends*), el SENTRY (21) y el TEST (*Tigecycline Evaluation and Surveillance Trial*) (22), en los cuales además se reporta

una prevalencia de *K. pneumoniae* productora BLEE mucho más alta en América Latina que en otras regiones del mundo. Similarmente, sólo en la región Asia/Pacífico encontraron cifras más altas de *E. coli* productora de BLEE. (20-22). En el SENTRY 2008 – 2010 (21), SMART 2008 – 2009 (20) y el TEST 2004 – 2010 (22), la frecuencia de *E. coli* productora de BLEE fue más alta en Chile, Ecuador, Guatemala, Honduras y México. En cuanto a *Klebsiella spp.* productora de BLEE con cifras de 50% o mayores se observó en Argentina, Brasil, Chile y Honduras.

En cuanto a la sensibilidad antibiótica nuestros datos son muy similares a lo reportado por Villegas (20), quien reporta que el 99% de *E. coli* de infecciones adquiridas en la comunidad productoras de BLEE fueron susceptibles a ertapenem, el 100% a imipenem, el 88% a amikacina, 6% a cefepime, 22% a ciprofloxacino y 73% a piperacilina/tazobactam. En las infecciones nosocomiales, el 99% de *E. coli* productora de BLEE fueron susceptibles a ertapenem, el 100% a imipenem, 85% a piperazilina/tazobactam, 81% a amicacina, 15% a ciprofloxacino, 10% a cefepime y solo 2% a ampicilina/sulbactam. Similarmente, el 92% de *K. pneumoniae* productora de BLEE adquirida en la comunidad fue sensible a ertapenem, el 98% a imipenem, el 74% a

**Tabla 9.** Sensibilidad de los aerobios gram negativos de las infecciones no biliarias nosocomiales.

Organismo	No. de Cepas	% de cepas sensibles																									
		BLEE (+)	Amicacina	Amox./Ac. Clavulánico.	Ampicilina	Aztreonam	Cefazolina	Cefepima	Cefotaxima	Cefoxitina	Ceftazidima	Ceftriaxona	Cefuroxima	Ciprofloxacino	Ertapenem	Gentamicina	Imipenem	Levofloxacino	Meropenem	Piperac./Tazobactam	Tetraciclina	Ticarcilina/Ac. Clavulan.	Tobramicina	Trimet./Sulfametox.	Cefotetan	Ampicil./Sulbactam	Tigeciclina
<i>E. coli</i>	13	85%	92	75	8	22	9	25	22	82	8	15	13	15	100	42	100	10	100	88	13	88	45	33	0		
<i>Klebsiella</i>	5	80%	100	50	0	20	20	20	20	100	20	20	20	40	100	100	100	20	100	80	20	25	100	40	100	0	100

De los aerobios Gram positivos de las infecciones no biliarias de la comunidad y nosocomiales solamente se aislaron: 1 cepa de *Enterococcus faecalis*, 1 cepa de *Enterococcus faecium* y 4 cepas de *Streptococcus*.

amicacina, el 12% a cefepime, el 19% a ciprofloxacino y el 41% a piperacilina/tazobactam. Asimismo, el 93% de *K. pneumoniae* productora de BLEE de las infecciones nosocomiales fue susceptible a ertapenem, el 100% a imipenem, el 67% a amicacina, el 0% a cefepime, el 33% a ciprofloxacino y el 50% a piperacilina/tazobactam <sup>(20)</sup>.

Cabe recalcar que la susceptibilidad se define en términos de concentración inhibitoria mínima (CIM) y no hay correlación clínica con el tratamiento.

Según nuestros resultados, los carbapenems se mantienen como los más activos contra todo tipo de patógenos, con 100% de susceptibilidad para *E. coli* y *Klebsiella* (BLEE y no BLEE). Los carbapenems son la terapia de elección para infecciones causadas por enterobacterias productoras de BLEE, pero una consecuencia indeseable de su uso podría ser la selección de enterobacterias y bacilos Gram negativos no fermentadores resistentes a carbapenems <sup>(18)</sup>.

Aunque estas bacterias productoras de BLEE tengan sensibilidad aparente a cefoxitina, ésta no debe emplearse ya que selecciona rápidamente mutantes deficientes en porinas. No se debe utilizar ninguna cefalosporina monobactam ni penicilina con inhibidores de las betalactamasas aunque se informe sensibilidad, debido a que la selección de gérmenes aislados con CIM elevadas por el efecto inóculo. Similarmente y debido a la co-expresión de resistencia, particularmente por los megaplásmidos que codifican CTX-M que conllevan resistencia a aminoglucósidos, cloranfenicol, tetraciclinas clásicas o trimetoprima/sulfametoxazol, debe evitarse el uso de estos antibióticos <sup>(16)</sup>.

La resistencia microbiana en América Latina parece ser más alta que en otras regiones del mundo. El elevado uso de antibacterianos y su mal uso (selección inapropiada, dosis sub óptima, pobre cumplimiento) podrían jugar un papel en la resistencia bacteriana <sup>(19)</sup>.

El reconocimiento temprano de pacientes con factores de riesgo para infecciones por bacterias resistentes es necesario para poder proveer de un tratamiento antibiótico empírico adecuado. Esta observación es especialmente importante en casos de IIA, desde que las cefalosporinas de tercera generación y fluoroquinolonas tienen un rol limitado como tratamientos de primera línea <sup>(19)</sup>. Los factores de riesgo descritos son antibioticoterapia previa (específicamente, el uso de quinolonas, cefalosporinas, piperazilina/tazobactam,  $\beta$  lactámicos con grupo oximino), infecciones recurrentes, cateterización urinaria, hemodiálisis, nutrición artificial y residencia en una casa de reposo <sup>(18,19)</sup>. Si bien es cierto, Guzmán - Blanco <sup>(18)</sup> menciona que, aunque las comorbilidades son un potencial factor de riesgo, al hacer la comparación de las comorbilidades entre el grupo de pacientes con bacterias productoras de BLEE y no productoras

de BLEE, éstas fueron similares. Según un estudio realizado por Pitout <sup>(23)</sup>, los ingresos repetidos a UCI, una patología renal subyacente, el uso previo de antibióticos, hospitalizaciones previas, residencia en asilos, la ancianidad, la diabetes mellitus y la patología hepática subyacente son factores de riesgo para la aparición de infecciones de la comunidad causadas por bacterias productoras de BLEE. En un metaanálisis de infecciones causadas por enterobacterias productoras de BLEE en pacientes de la comunidad de seis centros de Europa, Asia, y Norte América se encontró que el uso reciente de antibióticos, la hospitalización reciente, edad  $\geq 65$  años y el sexo masculino fueron factores de riesgo para una infección por un organismo productor de BLEE, estadísticamente significativos <sup>(24)</sup>.

En nuestro trabajo se encontró una mortalidad global de 12,03% y estuvo relacionada con la mayor edad, mayor puntuación APACHE II y ASA más alto. Además, que el porcentaje de IIA hospitalarias fue mayor en los fallecidos.

Estudios prospectivos han demostrado que los pacientes tienen una mejor sobrevida cuando se escoge un antimicrobiano correcto como terapia inicial <sup>(18)</sup>.

Con el advenimiento de las enterobacterias productoras de BLEE y su amplia distribución en los diferentes países de Latino América, incluyendo el nuestro, los patrones de susceptibilidad local así como los programas de vigilancia son necesarios para la toma de decisiones, sin embargo, se necesitan más datos de susceptibilidad local y nacional, con un mayor número de cultivos para el desarrollo de algoritmos de manejo, por lo tanto, la toma de cultivos de forma rutinaria en las IIA es fundamental para implementar programas de antibioticoterapia, en los cuales el de-escalamiento es un método muy importante para disminuir la presión selectiva de los antibióticos de amplio espectro.

## Conclusiones

En nuestro trabajo, el microorganismo de mayor prevalencia en las IIA biliares y no biliares; nosocomiales y de la comunidad es la *E. coli*.

En nuestro medio existe un gran porcentaje de bacterias productoras de BLEE en las IIA comunitarias biliares y no biliares, y dicho porcentaje es aún mayor en las IIA nosocomiales.

Los microorganismos de las IIA biliares y no biliares; nosocomiales y de la comunidad mostraron la mejor susceptibilidad *in vitro* para los carbapenems.

En nuestro medio, dada la alta resistencia *in vitro* de los microorganismos más frecuentes de las IIA biliares y no biliares; nosocomiales y de la comunidad (*E. coli*) a las quinolonas (> del 50%), éstas no deberían recomendarse como tratamiento empírico inicial.

## BIBLIOGRAFÍA

1. Menichetti F, Spanga G. [Definition and classification of intra-abdominal infections](#). J Chemother. 2009;21 Suppl 1:3-4.
2. Chow AW, Evans GA, Nathens AB, Ball CG, Hansen G, Harding GK, et al. [Canadian practice guidelines for surgical intra-abdominal infections](#). Can J Infect Dis Med Microbiol. 2010;21(1):11-37.
3. Malangoni MA, Inui T. [Peritonitis – the Western experience](#). World J Emerg Surg. 2006;1:25.
4. Pieracci FM, Barie PS. [Management of severe sepsis of abdominal origin](#). Scand J Surg. 2007;96(3):184-96.
5. Dellinger RP, Levy MM, Carlet JM, Bion J, Parker MM, Jaeschke R, et al. [Surviving Sepsis Campaign: international guidelines for management of severe sepsis and septic shock: 2008](#). Crit Care Med. 2008;36(1):296-327.
6. Paul M, Shani V, Muchtar E, Kariv G, Robenshtok E, Leibovici L. [Systematic review and meta-analysis of the efficacy of appropriate empiric antibiotic therapy for sepsis](#). Antimicrob Agents Chemother. 2010;54(11):4851-63.
7. Paterson DL, Rossi F, Baquero F, Hsueh PR, Woods GL, Satishchandran V, et al. [In vitro susceptibilities of aerobic and facultative Gram-negative bacilli isolated from patients with intra-abdominal infections worldwide: the 2003 Study for Monitoring Antimicrobial Resistance Trends \(SMART\)](#). J Antimicrob Chemother. 2005;55(6):965-73.
8. Rossi F, Baquero F, Hsueh PR, Paterson DL, Bochicchio GV, Snyder TA, et al. [In vitro susceptibilities of aerobic and facultatively anaerobic Gram-negative bacilli isolated from patients with intra-abdominal infections worldwide: 2004 results from SMART \(Study for Monitoring Antimicrobial Resistance Trends\)](#). J Antimicrob Chemother. 2006;58(1):205-10.
9. Montravers P, Lepape A, Dubreuil L, Gauzit R, Pean Y, Benchimol D, et al. [Clinical and microbiological profiles of community-acquired and nosocomial intra-abdominal infections: results of the French prospective, observational EBIIA study](#). J Antimicrob Chemother. 2009;63(4):785-94.
10. Sartelli M, Catena F, Ansaloni L, Leppaniemi A, Taviloglu K, van Goor H, et al. [Complicated intra-abdominal infections in Europe: preliminary data from the first three months of the CIAO Study](#). World J Emerg Surg. 2012;7(1):15.
11. Garner JS, Jarvis WJ, Emori TG. CDC definitions for nosocomial infections. In: Olmsted R, ed. APIC Infection Control and Applied Epidemiology: Principles and Practice. St Louis: Mosby; 1996. p. 1-20.
12. Garcia LS. Clinical Microbiology Procedures Handbook, 3th edition, vol.1. Section 3. 5. Body fluids cultures. Washington D.C: ASM Press; 2010.
13. Cornaglia G, Hryniewicz W, Jarlier V, Kahlmeter G, Mittermayer H, Stratchounski L, et al. [European recommendations for antimicrobial resistance surveillance](#). Clin Microbiol Infect. 2004;0(4):349-83. Erratum in: Clin Microbiol Infect. 2004;10(5): following 497.
14. Gomi H, Solomkin JS, Takada T, Strasberg SM, Pitt HA, Yoshida M, et al. [TG13 antimicrobial therapy for acute cholangitis and cholecystitis](#). J Hepatobiliary Pancreat Sci. 2013;20(1):60-70.
15. Solomkin JS, Mazuski JE, Bradley JS, Rodvold KA, Goldstein EJ, Baron EJ, et al. [Diagnosis and management of complicated intra-abdominal infection in adults and children: guidelines by the Surgical Infection Society and the Infectious Diseases Society of America](#). Clin Infect Dis. 2010;50(2):133-64.
16. Casellas JM. [Resistencia a los antibacterianos en América Latina: consecuencias para la neftología](#). Rev Panam Salud Publica. 2011;30(6):519-28.
17. Rodríguez L. Resistencia bacteriana,  $\beta$  lactamasas y situación en el Hospital Nacional Guillermo Almenara. Rev Cuerpo Medico. 2011;26(1):26-36.
18. Guzmán-Blanco M, Labarca JA, Villegas MV, Gotuzzo E; Latin America Working Group on Bacterial Resistance. [Extended spectrum  \$\beta\$  lactamase producers among nosocomial Enterobacteriaceae in Latin America](#). Braz J Infect Dis. 2014;18(4):421-33.
19. Salles MJC, Zurita J, Mejía C, Villegas MV; Latin America Working Group on Bacterial Resistance. [Resistant gram-negative infections in the outpatient setting in Latin America](#). Epidemiol Infect. 2013;141(12):2459-72.
20. Villegas MV, Blanco MG, Sifuentes-Osornio J, Rossi F. [Increasing prevalence of extended-spectrum-beta-lactamase among Gram-negative bacilli in Latin America--2008 update from the Study for Monitoring Antimicrobial Resistance Trends \(SMART\)](#). Braz J Infect Dis. 2011;15(1):34-9.
21. Gales AC, Castanheira M, Jones RN, Sader HS. [Antimicrobial resistance among Gram-negative bacilli isolated from Latin America: results from SENTRY Antimicrobial Surveillance Program \(Latin America, 2008-2010\)](#). Diagn Microbiol Infect Dis. 2012;73(4):354-60.
22. Reinert RR, Low DE, Rossi F, Zhang X, Wattal C, Dowzicky MJ. [Antimicrobial susceptibility among organisms from the Asia/Pacific Rim, Europe and Latin and North America collected as part of TEST and the in vitro activity of tigecycline](#). J Antimicrob Chemother. 2007;60(5):1018-29.
23. Pitout JD, Laupland KB. [Extended-spectrum beta-lactamase-producing Enterobacteriaceae: an emerging public-health concern](#). Lancet Infect Dis. 2008;8(3):159-66.
24. Ben-Ami R, Rodríguez-Baño J, Arslan H, Pitout JD, Quentin C, Calbo ES, et al. [A multinational survey of risk factors for infection with extended-spectrum beta-lactamase-producing enterobacteriaceae in nonhospitalized patients](#). Clin Infect Dis. 2009;49(5):682-90.

**Correspondencia:**

Fernando Revoredo

E-mail: [fernandorevoredodo@hotmail.com](mailto:fernandorevoredodo@hotmail.com)